

residue i random coil Ha shift

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	K	L	M	N	P	Q	R	S	T	V	W	Y
A				4.55 0.28 110																	
B									4.57 0.5 8	4.49 0.46 24				4.57 0.28 16							
C								5.24 2.2 11												5.91 0 1	5.08 0.78 6
D		5.61 1.86 12				4.47 0.52 34			4.05 0.42 55	4.23 0.37 148			4.59 0.4 50		4.24 0.39 54		4.36 0.35 65	3.99 0.76 69			
E									4.26 0.49 99		4.28 0.42 16		4.52 0.27 44		4.19 0.4 38						4.84 0.53 22
F																		3.75 0.38 14	4.25 0.22 3		
G				4.71 0.28 165	4.38 0.4 144					4.41 0.39 159					4.46 0.27 90	4.45 0.4 113	4.55 0.29 170				
H				4.49 0.92 28										4.25 0.37 33	4.61 0.89 15		4.34 0.35 38				
I	4.5 0.37 38			4.76 0.34 65	4.42 0.35 38							5 0.59 10					4.59 0.29 55				
K						4.79 0.34 30				4.21 0.6 118		4.29 1.19 27				4.23 0.47 59					
L																4.49 0.41 46			4.34 0.42 40		
M																					
N				4.55 0.29 45	4.17 0.32 36	7.47 18.35 40		4.14 1.03 17							4.16 0.58 53			4.36 0.49 62			

residue i-1

residue i random coil Ha shift

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	K	L	M	N	P	Q	R	S	T	V	W	Y
P				4.51 0.28 100	4.16 0.25 79	4.77 0.33 31								4.29 0.44 70	4.2 0.35 35		4.35 0.3 112				
Q					4.18 0.56 31						4.51 0.45 44								4.45 0.48 37		
R					4.41 0.37 48					4.24 0.55 62	4.27 0.48 49			4.24 0.68 66							
S				4.7 0.43 88	4.21 0.32 69		4.3 3.35 150											4.37 0.43 67	4.33 0.42 50		
T						4.8 0.47 31			4.35 0.43 38												
V					4.44 0.39 53					4.47 0.36 64	4.53 0.35 34		4.79 0.46 48							5.1 0.72 7	
W			4.97 0.59 12								4.95 0.23 2			4.01 0.32 7	4.63 0.35 11						
Y	4.54 0.5 19										4.58 0.58 22										

residue i-1